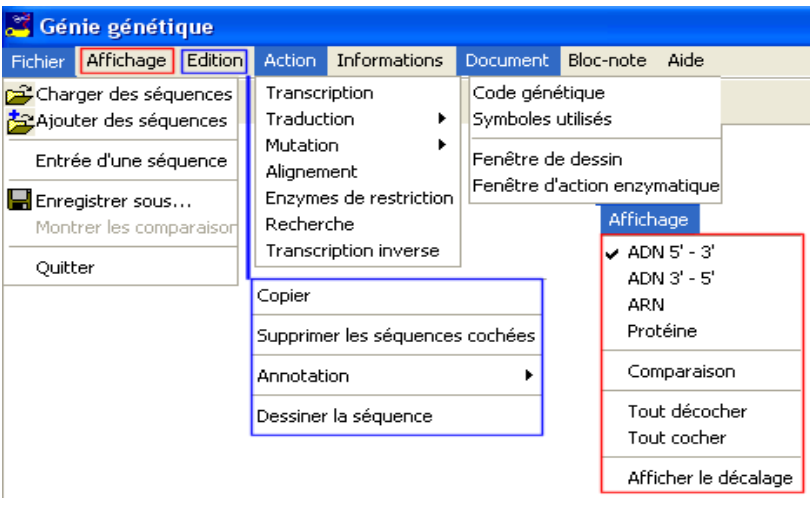
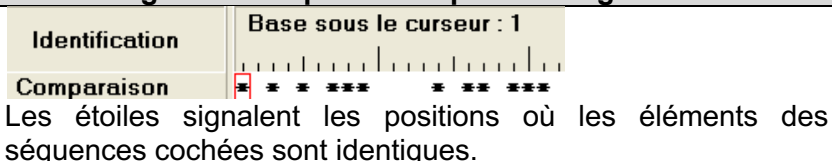


UTILISATION DU LOGICIEL GÉNIEGEN (2014)

Les menus		Numérotation des éléments d'une séquence	Ajouter une séquence
	<p>Base sous le curseur : 10 La numérotation s'adapte automatiquement au type de séquence</p> <pre> 5' ATGGCCGTCATGGCGCCC 5' ATAACCATGTATACTACC 5' ATGGCCGTCATGGCGCCC </pre>	<p>« Fichier/Ajouter » pour ne pas perdre les séquences précédentes</p>	
		Sélectionner une séquence	Traiter une séquence
		<p> <input checked="" type="checkbox"/> C Cocher les séquences à sélectionner. <input checked="" type="checkbox"/> N Utiliser les flèches pour faire remonter ou descendre les séquences sélectionnées. </p>	<p>Menu « Action ». On peut aligner les séquences, les convertir (transcrire, traduire...), ou faire agir des enzymes de restriction. Seules les séquences sélectionnées sont traitées.</p>
		Information sur les séquences	
		<p>« Informations » permet de d'avoir des informations sur les séquences (% de bases, longueur de la séquence)</p>	
Comparer des séquences			
<p>La comparaison des séquences ne peut se faire que sur des séquences de même nature. Les flèches haut-bas permettent de placer en haut la séquence de référence. S'il y a des discontinuités, le menu « Action/Alignement » permet d'éliminer les décalages résultant de mutations.</p>			
Comparaison simple	Reclasser les séquences traitées après un alignement		
<p>Avec « affichage / comparaison », aucun alignement n'est effectué.</p>	<p>Une fois les séquences alignées elles s'affichent dans le désordre. « Reclasser » permet de les replacer dans l'ordre d'affichage de la sélection.</p>		
Informations sur la ou les séquence(s) sélectionnée(s) après un alignement	Ligne de comparaison après un alignement		
<p>Utiliser le menu « informations » qui donne accès à un tableau de comparaison. Les informations qui s'affichent ne concernent que les séquences cochées. On peut choisir d'afficher les ressemblances ou les différences et de les exprimer en nombre ou en pourcentage.</p>	 <p>Les étoiles signalent les positions où les éléments des séquences cochées sont identiques.</p>		

Action des enzymes de restriction

- **Cliquer** sur Menu « Action/Enzymes de restriction. »
- Si nécessaire, **Charger** le fichier d'enzymes fourni par «Fichier/charger» sélectionner le type sequaid-anagène pour voir les fichiers .zym
- Cocher toutes les cases de choix. (Ou Choisir les types d'enzymes demandées. **Cliquer** sur « OK »


Schéma | Infos | Tableau

Les onglets permettent de **choisir** d'afficher :

- la carte de restriction (schéma)
- des informations sur les fragments coupés
- un tableau du nombre de coupure suivant la séquence et l'enzyme
- La « Fenêtre d'action enzymatique » peut être réaffichée si besoin par le menu « documents ».

Enzyme : Séquence :

Les boîtes à onglets permettent de **choisir** la séquence et l'enzyme.

La touche <Tab>  permet de **passer** d'un site de coupure au suivant dans la séquence.

ATTENTION : pour comparer, la séquence de référence est toujours celle qui est placée en premier.