

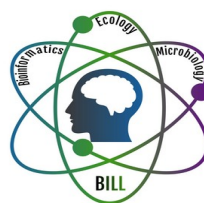
M2S3 - Semestre 9

HAU901I

UE Bioanalyse, transcriptomique

Responsable

Anna-Sophie Fiston-Lavier

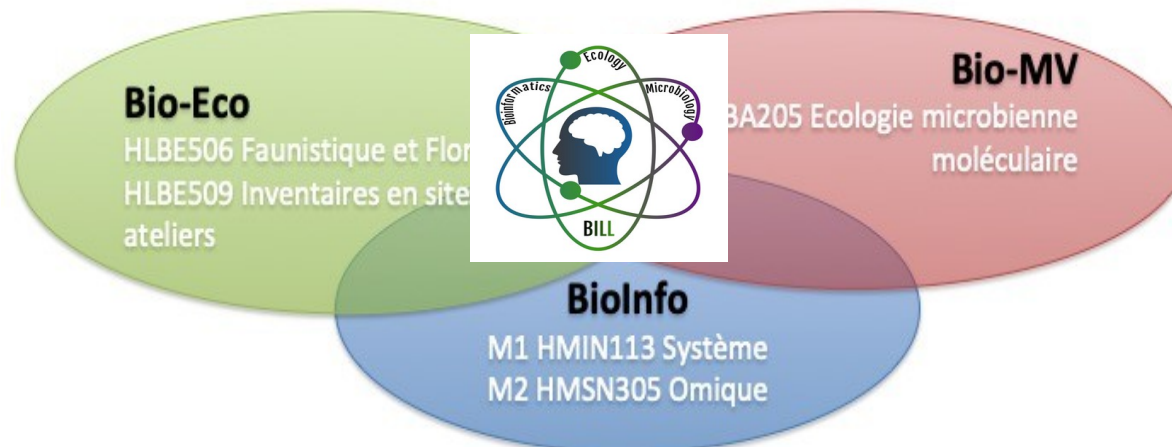


Un laboratoire d'apprentissage transdisciplinaire autour de la bioinformatique

Mélanie Debiais-Thibaud, Anne-Sophie Gosselin-Grenet et Anna-Sophie Fiston-Lavier



Travail collaboratif des étudiants de
Licence et Master de différents
parcours de la génération à
l'analyse des données





Depuis sept 2020

Aménagement



Bât 35

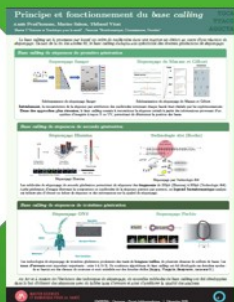


meubles



Peinture / Tableau blanc

Productions
Matériel



Armoire

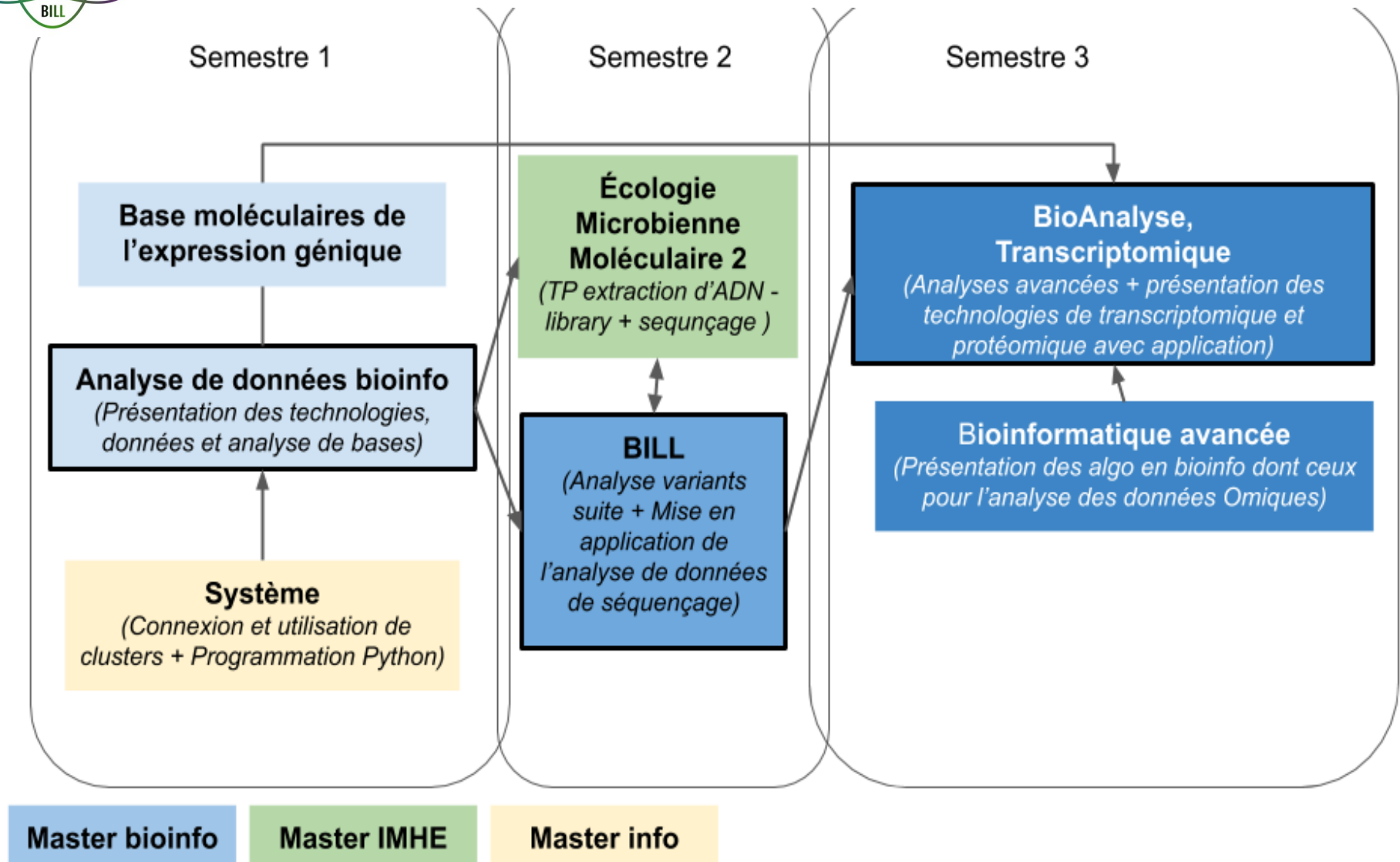
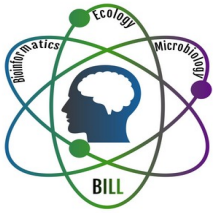


Portable/ 4 Minions



Animations





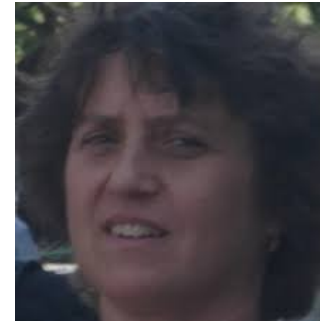
Les intervenants de l'UE – Bioanalyse, transcriptomique



Anthony
Boureux



Jacques
Colinge



Thérèse
Commes



Jean-Christophe
Avarre



Catherine
Breton



**Anna-Sophie
Fiston-Lavier**



François
Sabot

Programme de l'UE – Bioanalyse, transcriptomique

1/ Séquençage, Assemblage et Pangénomique (ASFL/FS)

Table de ronde sur la pangénomique est à prévoir (date à venir).

2/ Analyse d'expression de gènes – transcriptomique (TC/AB)

3/ Transcriptomique en cellules uniques (JC)

4/ Transcriptomique spatiale (Arthur Talman)

Lundi 23 Novembre 2026 @ 36.01



Pour chaque partie, au moins un mini-projet sera à rendre. Ce mini-projet pourra correspondre à un rapport bibliographique, un rapport de TP ou d'un projet.

Visite de la Plateforme MGX

- RDV le 16 Décembre 2026 à 13h15



1/ Séquençage, Assemblage et Pangénomique (ASFL/FS)

Table de ronde sur la pangénomique est à prévoir (date à venir).

7 septembre – 13h15- 16h30 (Reconnection – ASFL/CB/CS)

14 septembre – 13h15-16h30 (Intro pangénomique – SF/MM)*

21 septembre – 13h15-16h30 (Présentations approches/projet Pangénomique)*

23 septembre – 13h15- 16h30 (Projet Pangénomique)

23 novembre – 16h45 – 18h15 (Intervention de Arthur Talman)

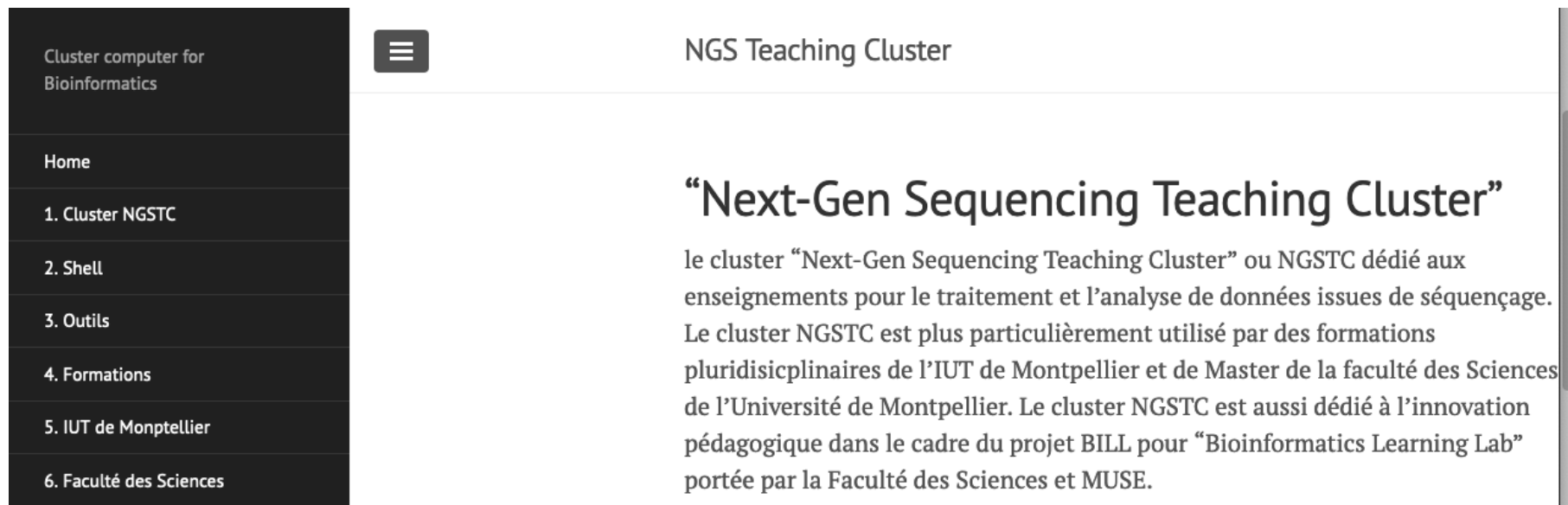
16 décembre à partir de 13h15 (Visite plateforme MGX)*

*3 mini-rendu de projet:

- Approches de séquençage (Présentation de 5 min) (25%)
- CR TP pangénomique avec SF (25%)
- mini-rapport : “Du séquençage à la pangénomique” (50%)

On se reconnecte cluster NGStc

<https://ngstc.iutms.umontpellier.fr/>



The screenshot shows the NGSTC website interface. On the left is a dark sidebar with a menu. The main content area has a header with a hamburger menu icon and the text 'NGS Teaching Cluster'. Below the header, the title '“Next-Gen Sequencing Teaching Cluster”' is displayed in a large font. Underneath the title is a paragraph of text describing the cluster's purpose and its use by various academic programs at the University of Montpellier.

Cluster computer for
Bioinformatics

Home

1. Cluster NGSTC
2. Shell
3. Outils
4. Formations
5. IUT de Montpellier
6. Faculté des Sciences

NGS Teaching Cluster

“Next-Gen Sequencing Teaching Cluster”

le cluster “Next-Gen Sequencing Teaching Cluster” ou NGSTC dédié aux enseignements pour le traitement et l’analyse de données issues de séquençage. Le cluster NGSTC est plus particulièrement utilisé par des formations pluridisciplinaires de l’IUT de Montpellier et de Master de la faculté des Sciences de l’Université de Montpellier. Le cluster NGSTC est aussi dédié à l’innovation pédagogique dans le cadre du projet BILL pour “Bioinformatics Learning Lab” portée par la Faculté des Sciences et MUSE.